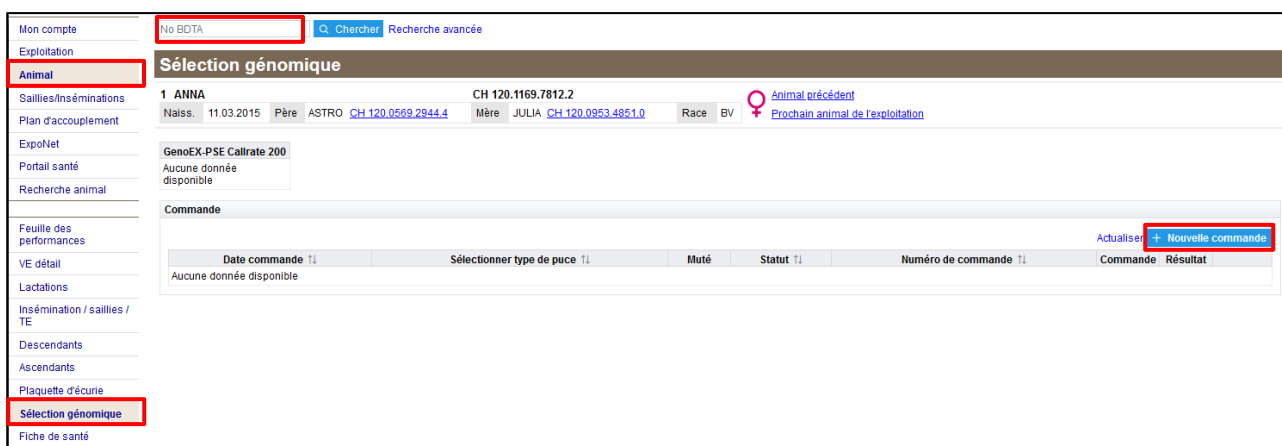


Traitement des commandes de sélection génomique

Toutes les commandes de sélection génomique doivent passer par BrunaNet moyennant des cartes de poils. Le formulaire de commande établi ainsi est imprimé et envoyé, avec l'échantillon de poils. Au moyen du dépistage de l'échantillon, l'état de traitement peut être poursuivi à tout moment. Désormais, les résultats sont mis en ligne sur BrunaNet pour le propriétaire. Dès qu'ils sont disponibles, l'éleveur en est informé par courriel.

Pour saisir la commande de génotypage pour un animal via BrunaNet, on peut entrer le numéro BDTA dans le menu « Animal » ou l'animal correspondant est sélectionné sur la liste des animaux de l'exploitation. Seules des commandes d'animaux qui se trouvent dans la propre exploitation peuvent être saisies.

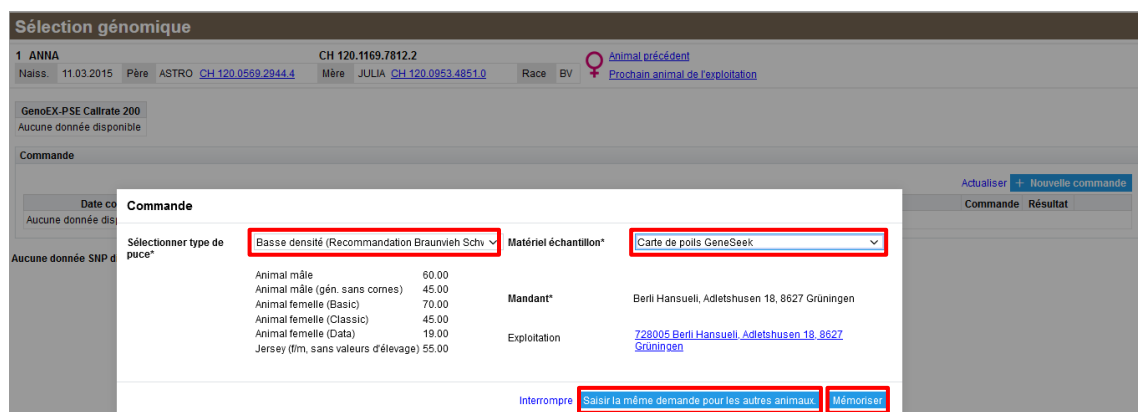
Via les sous-menus « Sélection génomique » et « Nouvelle commande », on saisit la commande du génotypage.



Créer une commande

Dans la sélection du type de puce, deux puces sont à disposition. Braunvieh Schweiz recommande le génotypage avec la puce LD (low density = basse densité). Cette puce comprend des tests sur des tares héréditaires, l'absence des cornes et l'analyse de la kappa- et bêta-caséine. Les tarifs sont affichés directement lors du choix de la puce.

Pour terminer, il faut indiquer le genre de matériel de l'échantillon. Pour les échantillons de poils, il faut utiliser les cartes de poils de GeneSeek. Sur demande, Braunvieh Schweiz les met à disposition aux exploitations gratuitement.



Sélectionner type de puce*	Matériel échantillon*
Basse densité (Recommandation Braunvieh Schw)	Carte de poils GeneSeek

Animal	Prix
Animal mâle	60,00
Animal mâle (gén. sans cornes)	45,00
Animal femelle (Basic)	70,00
Animal femelle (Classic)	45,00
Animal femelle (Data)	19,00
Jersey (fm, sans valeurs d'élevage)	55,00

Pour créer la commande définitivement, il faut cliquer sur « Mémoriser ». Si d'autres animaux doivent être enregistrés avec le même ordre, sélectionnez le bouton « Saisir la même demande pour d'autres animaux » au lieu de « Mémoriser ».

Saisir la même demande pour les animaux suivants

(1 of 3) << < 1 2 3 > >> 10

N° continu	Nom	N° BDTA	Date de naissance	Code racique	Statut SNP	Père	Mère
<input type="checkbox"/>	17	WILMA	CH 120.1027.0949.5	22.09.2012	BS		WILLIAM BV ALEXA
<input type="checkbox"/>	10	LINDA	CH 120.1169.7807.8	25.11.2014	BS		LETS GO-ET VALBELLA
<input type="checkbox"/>	6	BRUNA	CH 120.1169.7808.5	04.12.2014	BS	Commande créée	BIVER ANJA
<input type="checkbox"/>	7	DELIA	CH 120.1187.0019.6	23.12.2014	BS	Typage disponible	SIMBABOY DUSTENY
<input type="checkbox"/>	22	STEFANIE	CH 120.1210.4747.9	15.06.2015	BS	Typage disponible	SILVERSTONE WORLD
<input type="checkbox"/>	9	GABI	CH 120.1291.3236.8	31.08.2016	BS		GONZO-ET ARVE
<input type="checkbox"/>	8	DISTEL	CH 120.1265.8474.0	16.11.2016	BS	Typage disponible	BIVER DEBORA
<input type="checkbox"/>	19	ROYALE	CH 120.1292.1583.2	20.01.2017	BS		BIVER ROMY
<input type="checkbox"/>	18	PALMIRA	CH 120.1292.1584.9	24.01.2017	BS	Typage disponible	BIVER PIPETTE
<input type="checkbox"/>	26	BESS	CH 120.1263.9557.5	31.01.2017	BS	Typage disponible	BLOOMING-ET BRASILIA

(1 of 3) << < 1 2 3 > >> 10

Interrompre Mémoriser

Dans une étape suivante, on peut sélectionner chaque animal pour lequel le même ordre doit être enregistré. Les animaux déjà génotypés sont marqués avec le statut SNP correspondant. Dès que tous les animaux pour lesquels une commande est souhaitée ont été cochés, vous pouvez terminer en cliquant sur « Mémoriser ».

Au niveau exploitation, les commandes peuvent désormais être sélectionnées dans le sous-menu « SNP Info » et imprimées en série. Les commandes souhaitées sont ouvertes dans un fichier PDF. Sélectionnez le lien « Demande de publipostage » qui ouvre une nouvelle fenêtre avec le symbole PDF. En sélectionnant le symbole, le fichier peut être ouvert et les commandes imprimées.

Mon compte **Info SNP**

Exploitation 728005 Berli Hansueli, Adletshusen 18, 8627 Grüningen

Animal N° BDTA Nom Statut Race

Saillies/inséminations Date du Date jusqu'à E-Mail du E-Mail jusqu'à

Plan d'accouplement N° résultats 200 Chercher Réinitialiser

ExpoNet

Portail santé

Recherche animal

Généraliser liste VEGO

Demande publipostage Résultat publipostage

(1 of 1) << < 1 > >> 50

Date	E-Mail génotypage disponible	Statut de l'échantillon	No GeneSeek	No BDTA animal	Nom court	Nom du père	Race	Sexe	Date de naissance	commande	Résultat
19.10.2021		Commande créée		CH 120.1169.7812.2	ANNA	ASTRO	BV	F	11.03.2015		<input checked="" type="checkbox"/>
21.09.2021		Commande créée		CH 120.1380.8848.1	BUENA	BENDER-ET	BV	F	01.12.2017		<input checked="" type="checkbox"/>
20.09.2021		Commande créée		CH 120.1470.4682.1	CARMEN	CADENCE-ET	BV	F	02.10.2020		<input checked="" type="checkbox"/>
07.02.2021	09.03.2021	Typage disponible	52919115771	CH 120.1470.4684.5	LADINA	LEVI SG-ET	BV	F	02.11.2020		Consulter
07.02.2021	09.03.2021	Typage disponible	52919115772	CH 120.1470.4682.1	CARMEN	CADENCE-ET	BV	F	02.10.2020		Consulter
07.02.2021	09.03.2021	Typage disponible	52919115766	CH 120.1470.4678.4	BIANCA	BARCA	BV	F	22.08.2020		Consulter
07.02.2021	09.03.2021	Typage disponible	52919115770	CH 120.1604.4405.5	ALEA	AMIR	BV	F	04.01.2021		Consulter
07.02.2020		Commande créée		CH 120.0749.1184.1	NELLA	ASTRO	BV	F	17.08.2013		<input type="checkbox"/>
06.02.2020		Commande créée		CH 120.1169.7808.5	BRUNA	BIVER	BV	F	04.12.2014		<input type="checkbox"/>
15.07.2019	20.08.2019	Typage disponible	81318105112	CH 120.1470.4659.3	BARONA	BAYS-ET	BV	F	22.06.2019		Consulter
02.10.2018		Commande créée		CH 120.0836.9784.1	WINEA	WOODY	BV	F	01.01.2010		<input type="checkbox"/>
17.04.2018		Commande créée		CH 120.1195.6074.4	SILONA	SILVERSTONE	BV	F	25.11.2015		<input type="checkbox"/>
05.12.2016		Commande créée		CH 120.0247.1280.1	PAULA	POLDI	BV	F	02.02.2002		<input type="checkbox"/>

Les formulaires de commande imprimés doivent être envoyés à Qualitas SA avec les échantillons de poils. Qualitas SA transmet les échantillons entrants sur une base hebdomadaire. Le statut du typage de tous les animaux de l'exploitation peut être suivi dans le sous-menu « Info SNP ». Les échantillons évalués sont attendus environ 4 semaines plus tard.

Résultats sur BrunaNet

Après le calcul de la valeur d'élevage génomique optimisée, les résultats détaillés peuvent être consultés sous forme de PDF sous « SNP Info » et sous l'animal sur BrunaNet. Dès que les résultats sont disponibles, le client reçoit un courriel l'informant que les résultats sont en ligne sur BrunaNet. Si le génotypage a échoué et qu'il faut un nouvel échantillon, le client en est également informé par courriel.

Les tares héréditaires, la kappa-caséine et les analyses supplémentaires peuvent être consultées sous l'animal sur BrunaNet.

Les génotypages sont désormais facturés aux exploitations par trimestre.

Marques auriculaires par prélèvement de tissu

Les marques auriculaires par prélèvement de tissu d'Allflex peuvent être commandées auprès d'Agate. Lors de la première commande, les nouvelles pinces sont fournies en même temps. La marque auriculaire d'Allflex permet de marquer l'animal et de retirer le tissu en une seule étape. Sur la base du tissu prélevé, le laboratoire peut analyser les SNP et calculer les valeurs d'élevage génomiques.



L'avantage de la marque auriculaire par prélèvement de tissu est que la saisie classique ne nécessite plus l'entrée de la commande via BrunaNet. Le matériel d'échantillonnage peut donc être envoyé à Qualitas SA avec les enveloppes à bulles jointes.

Sélection génomique en bref :

Annoncer les veaux le plus vite possible à la BDTA

- Utiliser les cartes de poils GeneSeek ou les marques auriculaires par prélèvement de tissu
- Traitement des commandes via BrunaNet, si nécessaire
- Envoyer le formulaire de commande avec l'échantillon de poils à Qualitas SA
- **Aucun** formulaire de commande nécessaire pour les échantillons de tissus.
- Toujours à jour grâce au dépistage des échantillons
- Courriel après la réception des résultats ou en cas de problèmes
- Résultats affichés sur BrunaNet
- Publication immédiate des VEGO des femelles

www.braunvieh.ch → Exploitation → Estimation des valeurs d'élevage génomiques